# 张静怡

籍贯: 江苏靖江

出生年月: 2002.07

邮箱: 18052070304@163.com

电话: +(86) 18052070304

#### 教育背景

南洋理工大学 硕士 08/2024-11/2025

专业: 生物医学数据科学(生物技术方向)

新加坡

南京农业大学 学士

专业: 动物科学

09/2020-06/2024

南洋理工大学 暑期交换项目

江苏南京

主要课程:统计与数据分析基础

07/2023-08/2023 新加坡

## 实习经历

BenHealth 03/2025-至今

#### 医疗行业商业分析师实习生

上海

- ▶ **PD-1/PDL-1 药物市场动态追踪:** 收集并分析竞品信息、临床进展及市场策略;
- **参与设计医生调研问卷**:聚焦药物使用偏好、临床需求及市场认知,累计完成 17 位临床医生 深度访谈,覆盖三级医院肿瘤科、呼吸科、放疗科、胸外科、介入科;
- **协助整理访谈数据**:识别医生处方行为差异及未满足需求,为产品策略优化提供数据支持;

NHG 01/2025-03/2025

#### 糖尿病足患者热成像图像处理

新加坡

- 需求分析与方案设计:针对糖尿病患者足部临床筛查需求,参与设计足部热成像分类模型的功能框架:
- **数据分析:**分析 100+张足部热图特征,提出使用 **YOLO+SAM** 的图像分割算法优化建议,提升模型准确率:
- 跨团队协作:与团队中算法优化人员、上级临床医生合作完成产品优化迭代,输出改进意见;

华大生命科学研究院 08/2023-01/2024

研发部引物纯化

江苏常州

- 样品分析:独立完成1000+纯化引物的质谱检测和纯度分析,针对不合格样品进行复测, 并深入分析失败原因;
- 流程优化: 优化引物纯化 SOP 文档,缩短处理时间,提升团队效率;
- **仪器操作与维护**:熟练操作岛津高效液相色谱仪,掌握微孔板检测仪和分光光度计的使用,并负责仪器日常维护;

### 研究经历

## 毕设课题:不同工具对差异表达小 RNA 分子综合对比分析和实验验证

01/2024-05/2024

- **差异表达分析:** 使用 limma、edgeR 和 DESeq2 筛选差异表达小 RNA 分子;
- **工具对比研究:** 比较三种工具在相同数据集上的筛选结果,综合分析其相似性和差异,并总结出不同工具的特点;
- **靶基因预测及通路富集分析:** 利用 TargetScan 和 miRTarBase 预测差异表达小 RNA 的靶基因, 并使用 KEGG 通路富集分析靶基因的功能;
- 数据可视化:使用火山图等可视化手段展示分析结果;

#### 霉菌毒素 NIV 在猪卵母细胞成熟过程中的毒性和作用机制

11/2021-04/2023

● 需求洞察:通过文献调研与实验数据,识别霉菌毒素对卵母细胞生殖健康的影响,明确研究目标;

- **项目推进与协作:**协调团队三人制定实验计划,每周同步进度并协调优先级,确保项目按时完成;
- **数据分析:** ImageJ、GraphPad 对实验数据进行统计分析;
- 成果交付: 撰写论文发表于国际期刊;

发表文章:

Jing-Yi Zhang <sup>a 1</sup>, Meng-Yao Zhang <sup>a 1</sup>, Shi-Yi Xiao <sup>a 1</sup>, Mei-Feng Zheng <sup>b</sup>, Jun-Li Wang <sup>b</sup>, Shao-Chen Sun <sup>a</sup>, Li Qin <sup>b</sup> (2023). 'Nivalenol disrupts mitochondria functions during porcine oocyte meiotic maturation,' Journal of Toxicon

# 荣誉奖项

江苏省本科生境外交流政府奖学金项目	06/2023
第二届 "英语世界"杯全国大学生英语语法大赛二等奖	06/2023
校级生物化学知识竞赛三等奖	11/2021

# 专业技能

编程: R, Linux, Python(Numpy/ Pandas),SQL 实验技术: Western Blotting, PCR, Primer Design

语言: 英语(IELTS 6.5)