

个人信息

姓名：乔振兵

本科院校：河南农业大学

出生年月：1997年12月

本科专业：林学

手机号码：18803602265

硕士院校：南京林业大学

邮箱：qzb1227@163.com

硕士专业：森林培育



科研技能

实验技能：

1. 熟练掌握RNA和DNA的提取、凝胶电泳、引物设计、分子克隆、过表达载体构建、PCR、RT-qPCR、基因沉默等分子操作；在硕士研究中，成功克隆两个关键基因，并通过分子生物学方法进行验证，同时利用基因沉默技术探究了目标基因的生物学功能和作用机制。
2. 植物组织培养技术；以烟草叶片作为转基因受体材料，通过组培技术获得独立的抗性愈伤组织，进一步分化并再生为转基因株系。
3. 生物信息学分析；通过R语言、Python 进行基因组、转录组数据的分析、数据可视化以及图形绘制。

实验仪器：

1. 熟练使用共聚焦激光显微镜进行烟草亚细胞定位观察、分光光度计、酶标仪、高效液相色谱仪进行植物组织氨基酸组分分析、气相色谱质谱联用仪等；

软件应用：

1. 熟练掌握Office、Snapgene、Origin、Adobe Illustrator、Adobe Photoshop、GraphPad Prism、SPSS、TBtools；利用这些软件进行处理数据、设计图形并撰写科研论文。
2. 会使用NCBI、Pubmed等数据库进行文献搜索、生物信息检索和数据分析；

校园经历

2022.09-2025.06 南京林业大学（硕士）

- 曾获学校一等、二等、三等奖学金各一次。
- 硕士期间担任班长一职，积极解决班级及学校的相关事务。
- 积极参加学校组织的学术会议，曾参加湖南长沙举行办的中国林学经济林分会2023年学术年会一次。
- 在薄壳山核桃GS基因家族成员的研究中，以第一作者发表一篇SCI：

“Genome-Wide Identification and Expression Analysis of GS and GOGAT Gene Family in Pecan (*Carya illinoensis*) under Different Nitrogen Forms”-----Phyton-International Journal of Experimental Botany

在这篇文章中利用R语言对GS基因家族进行生物信息学分析，并使用RT-qPCR技术对基因进行相对表达量的测定，以及使用酶标仪进行酶活性的测定，最终筛选出最佳的营养配比。

- 目前有一篇大田实验的中文文章和一篇基因克隆及功能验证的英文文章以第一作者在投：
 1. Cloning and functional validation of CiGS gene from *Carya illinoensis*-----BMC Genomics
 2. 不同氮素形态对薄壳山核桃生长生理指标的影响及综合评价-----中南林业科技大学学报
- 在硕士期间积极协助导师进行视频拍摄、相关材料撰写、项目申报及项目结题等工作。

2018.09-2022.06 河南农业大学（本科）

- 担任团支书职务，负责班级与学院一些重要事情的交接
- 参加中华人民共和国第十一届少数民族运动会志愿者
- 河南省农业科学院实习进行物种质资源的收集、树木学实习、植物病虫害实习、洛阳老君山野外实习
- 英语四级、普通话二级甲等、C1机动车驾驶证、第十一届少数民族运动会优秀志愿者
- 毕业设计：侧柏幼苗切根对植物生长发育影响验证分析

课题研究

- 硕士课题：薄壳山核桃GS基因克隆及氮素形态的响应
- 课题内容：主要通过对大田进行不同氮肥施用，使用RT-qPCR技术对GS基因表达量测定分析来筛选出关键基因，然后通过分子手段将关键基因克隆、过表达载体构建、遗传转化拟南芥和薄壳山核桃来分析该基因的功能

个人评价

- 掌握了从基因克隆到蛋白表达的一系列分子技术，并能够熟练运用生物信息学工具进行数据分析。
- 具备扎实的理论基础和实验技能，能够独立设计和执行科研项目。
- 积极主动、细致入微并且注重团队合作，具备良好的沟通能力，能够与团队成员有效协作，共同推进项目进展。