

姜青晨

电话: 130-3184-3352 | 邮箱: jqc3347@163.com | 中共党员



教育经历

2022.09 - 2025.06	西安交通大学	病原生物学（生物信息学）	硕士
主修课程：学术英语(92)、生物信息学(83)、分子细胞生物学(87)、基因检测与分析(95)			
2018.09 - 2022.06	唐山师范学院	园艺（生物信息学）	本科
主修课程：分子生物学(86)、生物统计学(83)、有机化学(91)、遗传学(85)、微生物学(90)			

技能与证书

- 熟练掌握R、Python、Linux等工具；熟练掌握高通量测序NGS数据分析流程及常用工具，临床统计数据分析方法。熟练挖掘TCGA、GEO、GAWS、IEUMiBioGen、UK biobank、NHANES等数据库；
- 擅长单细胞、空间转录组、多组学和孟德尔随机化，并与机器学习和深度学习联合进行个性化分析发文。

科研经历

参与横向课题《石油固碳微生物筛选及固碳作用机理研究》 2023.10 - 2024.07

- 投标和立项：在投标阶段，负责方案撰写、预算编制及技术路线设计，确保项目优势充分展示，最终顺利中标。项目立项后，组织并完成了目标样品的取样计划，其中包括协调取样点的选择，与当地勘探部沟通，克服时间和场地限制确保样品及时获取。
- 实验阶段：参与DNA提取、PCR扩增、文库构建等关键步骤，并监督高通量测序的实施，确保数据的准确性和完整性。随后，利用生物信息学工具（如QIIME2、R语言等）进行数据分析。
- 项目成果：不仅解决了因环境样品复杂性导致的数据质量问题，还根据分析结果撰写了详细的研究报告和论文。最终，项目在规定时间内顺利完成结题验收。

参加百度全球AI药物研究算法大赛 2023.06 - 2023.09

- 人工智能的药物筛选模型开发与优化工作：通过机器学习和深度学习技术（如XGBoost、随机森林、卷积神经网络等），分析了数百万条与新冠治疗相关的化合物结构和活性数据，构建高效筛选模型。
- 解决了数据稀疏、模型过拟合等关键难题，并通过交叉验证和集成模型提高了预测准确率成功筛选并预测了对应新冠治疗药物高达95%，取得全国前16名的成绩。

主持研究生自主创新实验《心理应激诱导β-内啡肽导致雄鼠生殖损伤及其作用机制》 2023.03 - 2024.07

- 在科研经费的申请过程中，撰写项目申报书，明确项目的研究目的、技术路线和创新点，同时制定了详细的预算与实施计划，包括动物购置、实验材料、测定仪器的使用等，申请到1w科研经费用于后续研究。
- 熟练掌握双向凝胶电泳、免疫组化、TUNEL法、PCR技术、ELISA实验、流式细胞术等技术，已顺利结题。

荣誉与获奖

- 获河北省大学生挑战杯省赛一等奖、创青春省赛二等奖、互联网+省赛银奖
- 获得校级三等奖学金、“三好学生”、“优秀学生干部”、“优秀共青团员”称号
- 获西安交通大学二等奖学金

论文

- Qingchen Jiang, Laiqiang Wu, Xiaochen Wang, Xiaorui Liu, Wen Zhang, Li Xue, Juan Yang, Teng Chen, Yanjiong Chen, Biao Wang. Investigating causal links between gut microbiota and neurological disorders via genome-wide association studies. (第一作者, Molecular Neurobiology, under review).
- Laiqiang Wu, Qingchen Jiang, Xiaorui Liu, Ming Li, Min Liang, Shuai Wang, Rui Wang, Linlan Su, Tong Ni, Nan Dong, Li Zhu, Fanglin Guan, Jie Zhu, Min Wu, Yanjiong Chen, Teng Chen, Biao Wang. Methamphetamine-induced impairment of memory and fleeting neuroinflammation: profiling mRNA changes in mouse hippocampus following short-term and long-term exposure. (共同第一作者, Neuropharmacology, 已录用).